

MTHFR 677C>T RealFast™ Assay

REF 7-160 / 7-163 100 / 32 reactions
-30°C -15°C CE IVD



ViennaLab Diagnostics GmbH
Gaudenzdorfer Guertel 43-45
A-1120 Vienna, Austria
Phone: (+43-1) 8120156-0
info@viennalab.com
www.viennalab.com

1. Intended Use

The MTHFR 677C>T RealFast™ Assay is a fast and accurate real-time PCR test for the detection of the 677C>T mutation in the *methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR)* gene. The mutation is associated with decreased enzyme activity, which leads to hyperhomocysteinemia and to toxic side-effects of methotrexate therapy. The kit is designed to identify patients predisposed to develop cardiovascular diseases or intolerance to methotrexate. The qualitative assay discriminates the three possible MTHFR 677C>T genotypes in a human DNA extract: CC (normal), CT (heterozygous) or TT (homozygous mutant).
Reference sequence: HGVS: NG_013351.1 g.14783C>T; dbSNP: rs1801133.

2. Introduction

Elevated levels of homocysteine, an intermediary product of the methionine metabolism, are an established risk factor for atherosclerosis and arterial thrombosis. Hyperhomocysteinemia ultimately leads to endothelial dysfunction with associated platelet activation and thrombus formation. Mild to moderate forms can be caused by homozygosity for a common 677C>T point mutation in the coding region of the *MTHFR* gene. The second common MTHFR mutation 1298A>C also contributes to reduced enzyme activity, especially when occurring simultaneously with 677C>T. The prevalence of homozygous 677C>T carriers in the normal population is up to 15%, which reflects the high percentage of heterozygotes (40%). Fasting homocysteine levels are significantly higher in individuals heterozygous for both substitutions compared with individuals carrying only the heterozygous 677C>T mutation. Hyperhomocysteinemia may affect methotrexate sensitivity and contribute to toxicity, as MTHFR is an important enzyme in maintaining cellular folate pools. Thus homozygosity for 677C>T or compound heterozygosity for 677C>T / 1298A>C conveys a significantly higher risk for negative side-effects of methotrexate medication.

3. Kit Contents

100 / 32 Rxn

RealFast™ 2x Genotyping Mix	1 vial	□ white cap	1000 / 320 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	1 vial	■ purple cap	550 / 550 µl
MTHFR 677C>T WT-Control	1 vial	■ green cap	75 / 75 µl
MTHFR 677C>T MUT-Control	1 vial	■ red cap	75 / 75 µl

The RealFast™ 2x Genotyping Mix comprises HotStart Taq DNA polymerase and dNTPs in an optimized buffer system. The MTHFR 677C>T Assay Mix consists of *MTHFR* gene-specific primers and two allele-specific, dual-labeled hydrolysis probes. Controls representing wild type (WT-Control) and homozygous mutant (MUT-Control) genotypes are supplied with the kit.

The kit contains reagents for 100 / 32 reactions in a final volume of 20 µl each.

4. Storage and Stability

MTHFR 677C>T RealFast™ Assay is shipped on cooling blocks. On arrival, store the kit at -30 to -15°C. Alternatively, store at 2 to 8°C for short-term use within one month. The kit withstands up to 20 freeze/thaw cycles with no loss of activity. Avoid prolonged exposure to intense light. If stored correctly, the kit will retain full activity until the expiration date indicated on the label.

5. Product Description

5.1. Principle of the Test

The test is based on the fluorogenic 5' nuclease assay, also known as TaqMan® assay. Each reaction contains a gene-specific primer pair which amplifies a 185 bp fragment of the *MTHFR* gene, and two dual-labeled, allele-specific hydrolysis probes which hybridize to the target sequence of the amplified fragment. The proximity of the 5'-fluorescent reporter and 3'-quencher dye on intact probes prevents the reporter from fluorescing. During the extension phase of PCR the 5' – 3' exonuclease activity of the Taq DNA polymerase cleaves the 5'-fluorescent reporter from the hybridized probe. The physical separation of the fluorophore from the quencher dye generates a fluorescent signal in real-time, which is proportional to the accumulated PCR product.

In normal samples the **HEX-labeled 677C>T wild type probe** hybridizes to the complementary strand of the gene fragment. A strong fluorescence signal is detected in the HEX channel (556nm) and no or only a baseline signal in the FAM channel (520nm). Vice versa, in homozygous mutant samples the **FAM-labeled 677C>T mutant probe** binds to the gene fragment. A strong fluorescence signal is detected in the FAM channel and no or only a baseline signal in the HEX channel. In heterozygous samples both wild type and mutant probes bind to the amplicons and generate intermediate signals in both channels.

5.2. Real-time PCR Instrument Compatibility

The MTHFR 677C>T RealFast™ Assay is validated for use with the AB 7500 Fast instrument.

The kit is compatible with various common real-time PCR instruments capable of recording FAM and HEX fluorescence:

- ✓ AB 7500 Fast (Applied Biosystems®)
- ✓ AB StepOne™ (Applied Biosystems®)
- ✓ CFX96™ (Bio-Rad)
- ✓ LightCycler® 480 (Roche)
- ✓ MIC qPCR Cycler (bms)
- ✓ Mx3005P (Agilent Technologies)
- ✓ Rotor-Gene® 6000 (Qiagen)

» **Note:** RealFast™ Genotyping QuickGuides for setting up and analyzing experiments on different types of instruments can be downloaded from www.viennalab.com.

When using AB StepOne™, set passive reference dye to "ROX"! «

The kit is supplied **without ROX**. For use with real-time PCR instruments requiring high ROX for normalization of data (e.g. Applied Biosystems® instruments: StepOne™, 7300, 7900/7900HT), add ROX at a final concentration of 1 µM to the 2x Genotyping Mix.

5.3. Assay Performance Specifications

Determination of **sensitivity** was performed on 67 alleles testing positive for the MTHFR 677C>T mutation with a CE-marked reference kit. The MTHFR 677C>T RealFast™ Assay determined all 67 alleles as positive, which equaled a true positive rate of 100%.

Determination of **specificity** was performed on 65 alleles testing negative for the MTHFR 677C>T mutation with a CE-marked reference kit. The MTHFR 677C>T RealFast™ Assay determined all 65 alleles as negative, which equaled a true negative rate of 100%.

Limit of detection: 0.2 ng genomic DNA (per reaction). Recommended DNA concentration: 2 to 20 ng/µl genomic DNA.

6. Materials Required but not Supplied

Real-time PCR instrument with FAM (520 nm) and HEX (556 nm) filters, instrument-compatible reaction vessels, disposable powder-free gloves, vortexer, mini-centrifuge for 2.0 ml tubes, tube racks, set of calibrated micropipettes (0.5 – 1000 µl), sterile tips with aerosol-barrier filter, molecular grade water, DNA extraction system, freezer, biohazard waste container.

7. Experimental Protocol

7.1. DNA Extraction

DNA extraction reagents are **not supplied** with the kit.

DNA isolated from various specimens (e.g. whole peripheral blood, dried blood spots, buccal swabs or saliva) can be used. Ensure extracted DNA is suitable for amplification in terms of concentration, purity and integrity.

For accurate genotype calling, the DNA amount per reaction should be within the range of 10 to 100 ng for all samples.

7.2. PCR Controls

Always include a **No Template Control (NTC)** in each experiment to confirm absence of potential contamination. It is advisable to run the NTC (use PCR-grade water instead of DNA) in duplicate.

Always include the MTHFR 677C>T **WT-Control** and MTHFR 677C>T **MUT-Control** as positive reference signals for your unknown samples. Some real-time PCR software, e.g. AB 7500 Fast, requires signals for all three possible genotypes for correct allelic discrimination. In order to obtain a heterozygous control (HET-Control), mix an aliquot of WT-Control and MUT-Control in a ratio of 1:1.

» **Note:** WT- and MUT-Controls are potential sources of contamination. Make sure to handle them carefully. «

7.3. Preparation of MTHFR 677C>A RealFast™ Master Mix:

Gently vortex and briefly centrifuge all solutions after thawing. Set up PCR at room temperature. Prepare sufficient **Master Mix** for all your reactions (N samples + positive controls + negative controls) plus at least one additional reaction to compensate for pipetting inaccuracies:

Component	per reaction	e.g. 24+1 reactions
RealFast™ 2x Genotyping Mix	10 µl	250 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	5 µl	125 µl
Master Mix	15 µl	375 µl

Dispense **15 µl Master Mix** into each well. Add **5 µl purified DNA** or **Control** template to reach a final reaction volume of 20 µl.

To minimize risk of contamination, always pipette templates in the following order: first NTC, then samples, last positive controls. Immediately close reaction vessels.

» **Note:** Avoid creating bubbles in the final reaction mix and avoid touching the optical surface of the cap or sealing film without gloves. Both may interfere with fluorescence measurements. Centrifuge briefly if needed. «

7.4. PCR Program

Program the real-time PCR instrument according to the manufacturer's instructions for allelic discrimination / genotyping experiments. Place the samples into the thermal cycler and run the following program:

AB 7500 Fast, StepOne™, CFX96™, LightCycler® 480, Mx3005P and other Peltier heating block-based instruments:

Cycles	Temp	Time	Steps
1	95°C	3 min	Initial denaturation
40	95°C	15 sec	Denaturation
	60°C	1 min	Annealing/Extension – Data acquisition on FAM and HEX channel

MIC qPCR Cycler, Rotor-Gene® 6000*):

Cycles	Temp	Time	Steps
1	95°C	3 min	Initial denaturation
40	95°C	15 sec	Denaturation
	60°C <i>*for 36-well rotor: 56°C</i>	1 min	Annealing/Extension – Data acquisition on Green and Yellow channel

8. Data Analysis / Interpretation of Results

The genotype of each sample is determined by calculating the ratio between signals recorded in the **HEX channel (normal)** and signals recorded in the **FAM channel (mutant)**. Most real-time PCR software automatically resolves data of both channels into clusters in a scatterplot. Data points plotted along the x- and y-axes correspond to normal and homozygous mutant genotypes, respectively. Data points clustered in the middle of the scatterplot represent heterozygous genotypes. The NTC appears in the lower left corner.

Controls	Amplification in FAM channel (520 nm)	Amplification in HEX channel (556 nm)	Genotype
WT-Control	NO	YES	normal
HET-Control	YES	YES	heterozygous
MUT-Control	YES	NO	homozygous mutant
NTC	NO	NO	----

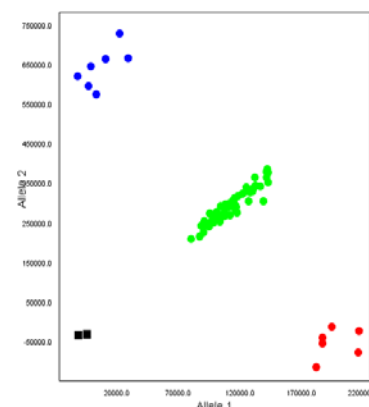
Some instrument software needs manual threshold settings for accurate genotype calling.

Recommendations for Threshold Settings (C_q):

Set threshold value for the FAM channel just above the background fluorescent signal generated by the WT-Control (HEX-positive). Vice versa, set threshold value for the HEX channel just above the background fluorescent signal of the MUT-Control (FAM-positive).

Samples crossing the threshold line beyond C_q 37 give invalid results and must be repeated.

To analyze acquired data, please follow your instrument software instructions.



9. Warnings and Precautions

- For *in vitro* diagnostics use only.
- Always use disposable powder-free gloves and wear suitable lab coat when handling specimens and reagents.
- Perform reaction setup in an area separate from nucleic acid preparation and PCR product analysis.
- Use pipettes dedicated for PCR setup only, use aerosol-guarded pipette tips.
- Use instrument-compatible reaction vessels with optically clear caps or sealers.
- Do not mix reagents from different lots.
- Do not use expired kits or kit components.

MTHFR 677C>T RealFast™ Assay

REF 7-160 / 7-163 100 / 32 Reaktionen
-30°C -15°C



ViennaLab Diagnostics GmbH

Gaudenzdorfer Guertel 43-45

A-1120 Vienna, Austria

Phone: (+43-1) 8120156-0

info@viennalab.com

www.viennalab.com

1. Verwendungszweck

Der MTHFR 677C>T RealFast™ Assay ist ein schneller und präziser real-time PCR Test zur Detektion der 677C>T Mutation im *Methylentetrahydrofolat-Reduktase (MTHFR)* Gen. Die Mutation ist mit einer verringerten Enzymaktivität verbunden, welche zu Hyperhomocysteinämie und zu toxischen Nebeneffekten einer Methotrexat-Therapie führen kann. Der Kit dient der Identifizierung von Patienten mit einer Prädisposition für kardiovaskuläre Erkrankungen, als auch der Feststellung einer Intoleranz gegenüber Methotrexat. Der qualitative Test weist in einem humanen DNA-Extrakt einen der drei möglichen MTHFR 677C>T Genotypen nach: CC (normal), CT (heterozygot) oder TT (homozygot mutiert). Referenzsequenz: HGVS: NG_013351.1 g.14783C>T; dbSNP: rs1801133.

2. Einleitung

Erhöhte Werte für Homocystein, ein intermediäres Produkt des Methionin Metabolismus, sind ein Risikofaktor für Atherosklerose und arterielle Thrombose. Hyperhomocysteinämie führt zu endothelialer Dysfunktion und ist mit der Aktivierung von Thrombozyten und Thrombusbildung assoziiert. Milde bis moderate Formen können durch die homozygote 677C>T oder komplex heterozygote 677C>T/1298A>C Punktmutation verursacht werden. Die MTHFR Mutation 1298A>C ist ebenfalls mit verringerter Enzymaktivität verbunden. Homozygote 677C>T Träger kommen in der normalen Bevölkerung bis zu 15% vor, was den hohen Anteil an 40% Heterozygoten reflektiert. Der Homocysteinspiegel ist bei Individuen mit beiden Mutationen signifikant höher als bei solchen die nur eine heterozygote 677C>T Mutation tragen. Hyperhomocysteinämie kann die Sensitivität gegenüber Methotrexat beeinflussen und zur Toxizität beitragen, da MTHFR ein wichtiges Enzym zur Aufrechterhaltung zellulärer Folatvorkommen ist. Eine homozygote 677C>T oder kombiniert heterozygote 677C>T/1298A>C Mutation stellt somit ein signifikant höheres Risiko für Nebenwirkungen bei der Behandlung mit Methotrexat dar.

3. Kit Bestandteile

100 / 32 Rxn

RealFast™ 2x Genotyping Mix	1 Vial	<input type="checkbox"/> weißer Deckel	1000 / 320 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	1 Vial	<input type="checkbox"/> violetter Deckel	550 / 550 µl
MTHFR 677C>T WT-Control	1 Vial	<input type="checkbox"/> grüner Deckel	75 / 75 µl
MTHFR 677C>T MUT-Control	1 Vial	<input type="checkbox"/> roter Deckel	75 / 75 µl

Der RealFast™ 2x Genotyping Mix enthält HotStart Taq DNA Polymerase und dNTPs in einem optimierten Puffersystem. Der MTHFR 677C>T Assay Mix besteht aus *MTHFR* genspezifischen Primern und zwei doppelt-markierten Hydrolysesonden. Weiters sind Kontrolltemplates für den normalen (WT-Control) und homozygot mutierten (MUT-Control) Genotyp im Kit vorhanden.

Der Kit beinhaltet Reagenzien für 100 / 32 Reaktionen mit je 20 µl Endvolumen.

4. Lagerung und Stabilität

Der MTHFR 677C>T RealFast™ Assay wird auf Kühlblöcken geliefert. Lagern Sie den Kit nach Erhalt bei -30 bis -15°C. Alternativ bei Verwendung innerhalb eines Monats bei 2-8°C. Die Reagenzien überdauern ohne Aktivitätsverlust bis zu 20 Einfrier-/Auftauzyklen. Vermeiden Sie längere Exposition gegenüber direktem Licht. Bei korrekter Lagerung behält der Kit seine volle Funktionsfähigkeit bis zum angegebenen Ablaufdatum.

5. Produktbeschreibung

5.1. Testprinzip

Der Test basiert auf dem fluorogenen 5'-Nuklease-Assay, bekannt auch als TaqMan®-Assay. Jede Reaktion enthält ein genspezifisches Primerpaar zur Amplifizierung eines 185 bp Fragments im *MTHFR* Gen und zwei doppelt-markierte, allelspezifische Hydrolysesonden, die an die Zielsequenz des amplifizierten Fragments binden. Die unmittelbare Nähe von 5'-Fluoreszenzreporter und 3'-Quencherfarbstoff unterdrückt die Fluoreszenz der intakten Sonde. Während des Extensionsschrittes der PCR spaltet die 5' – 3' Exonuklease Aktivität der Taq DNA-Polymerase den Reporter von der hybridisierten Sonde ab. Die räumliche Trennung des Fluorophors vom Quencher verursacht in Echtzeit ein Fluoreszenzsignal, welches proportional zur Menge des PCR-Produkts ist.

In normalen Proben hybridisiert die **HEX-markierte 677C>T Wildtyp-Sonde** an den komplementären Strang des amplifizierten Genfragments. Das Resultat ist ein starkes Fluoreszenzsignal im HEX-Kanal (556nm) und ein geringes, an der Basislinie liegendes Signal im FAM-Kanal (520nm). Im umgekehrten Fall von homozygot mutierten Proben hybridisiert die **FAM-markierte 677C>T Mutanten-Sonde** an den komplementären Strang des amplifizierten Genfragments. Somit wird ein starkes Fluoreszenzsignal im FAM-Kanal und ein geringes, an der Basislinie liegendes Signal im HEX-Kanal detektiert. Bei heterozygoten Proben binden beide Sonden an die Zielregion der Amplikons und verursachen ein intermediäres Signal in beiden Detektionskanälen.

5.2. Kompatibilität mit real-time PCR Geräten

Der MTHFR 677C>T RealFast™ Assay ist für die Verwendung mit dem AB 7500 Fast Gerät validiert.

Der Kit ist mit verschiedenen handelsüblichen real-time PCR Geräten, die FAM- und HEX-Fluoreszenz detektieren können, kompatibel:

- ✓ AB 7500 Fast (Applied Biosystems®)
- ✓ AB StepOne™ (Applied Biosystems®)
- ✓ CFX96™ (Bio-Rad)
- ✓ LightCycler® 480 (Roche)
- ✓ MIC qPCR Cyclers (bms)
- ✓ Mx3005P (Agilent Technologies)
- ✓ Rotor-Gene® 6000 (Qiagen)

» **Anmerkung:** RealFast™ Genotyping QuickGuides zur Programmierung und Auswertung von Assays auf verschiedenen Geräten sind als Download verfügbar: www.viennalab.com.

Bei Verwendung von AB StepOne™ muss der passive Referenzfarbstoff auf "ROX" gesetzt werden! «

Der Kit enthält **kein ROX**. Bei Verwendung von real-time PCR Geräten, die eine hohe ROX- Konzentration zur Normalisierung der Daten erfordern (z.B. Applied Biosystems® Geräte: StepOne™, 7300, 7900/7900HT), muss ROX in einer Endkonzentration von 1 µM dem 2x Genotyping Mix zugefügt werden.

5.3. Testspezifikationen

Die **Sensitivität** wurde anhand von 67 Allelen, die mit einem CE-markierten Referenztest positiv auf die MTHFR 677C>T Mutation getestet wurden, bestimmt. Der MTHFR 677C>T RealFast™ Assay typisierte alle 67 Allele als positiv = 100% Richtig-Positiv-Rate.

Die **Spezifität** wurde anhand von 65 Allelen, die mit einem CE-markierten Referenztest negativ auf die MTHFR 677C>T Mutation getestet wurden, bestimmt. Der MTHFR 677C>T RealFast™ Assay typisierte alle 65 Allele als negativ = 100% Richtig-Negativ-Rate.

Detektionslimit: 0.2 ng genomische DNA (pro Reaktion). Empfohlene DNA Konzentration: 2 bis 20 ng/µl genomische DNA

6. Erforderliche, aber nicht bereitgestellte Materialien

Real-time PCR Gerät mit FAM-(520 nm) und HEX-(556 nm) Filter, gerätekompabile optische PCR-Gefäße, puderfreie Einweghandschuhe, Vortexer, Minizentrifuge für 2.0 ml Röhrchen, Röhrchenständer, Set kalibrierter Mikropipetten (0.5 – 1000 µl), sterile Pipettenspitzen mit Aerosolfilter, hochreines Wasser, DNA Extraktionssystem, Kühl- oder Gefrierschrank, Abfallbehälter.

7. Arbeitsanleitung

7.1. DNA Extraktion

DNA Extraktionsreagenzien sind **nicht im Kit** enthalten.

Es kann DNA aus verschiedenen Proben (z.B. Vollblut, Blutkärtchen, Wangenabstriche oder Speichel) verwendet werden. Gereinigte DNA muss für die Amplifizierung in hochmolekularer Form sowie in ausreichender Menge und Reinheit vorliegen.

Für eine zuverlässige Genotypisierung sollte die DNA Menge pro Reaktion für alle Proben zwischen 10 und 100 ng liegen.

7.2. PCR Kontrollen

Schließen Sie in jedem Lauf **immer** eine **No Template Control** (NTC) zur Kontrolle potentieller Kontaminationen mit ein. Es ist empfehlenswert die NTC (hochreines Wasser anstelle von DNA) als Duplikat einzusetzen.

Führen Sie in jedem Lauf **immer** die MTHFR 677C>T **WT-Control** und die MTHFR 677C>T **MUT-Control** als Referenzsignale für unbekannte Proben durch. Einige real-time PCR Programme, beispielsweise für AB 7500 Fast, erfordern zur korrekten Auswertung im "Allelic Discrimination Plot" Signale für alle drei möglichen Genotypen. Zur Herstellung einer heterozygoten Kontrolle (HET-Control) mischen Sie ein Aliquot von WT-Control und MUT-Control im Verhältnis 1:1.

» **Anmerkung:** WT- und MUT-Controls stellen potentielle Kontaminationsquellen dar und müssen daher mit größter Sorgfalt gehandhabt werden. «

7.3. Vorbereitung des MTHFR 677C>T RealFast™ Master-Mixes

Alle Lösungen komplett auftauen, vorsichtig mischen und kurz abzentrifugieren. Das Ansetzen der PCR erfolgt bei Raumtemperatur. Bereiten Sie ausreichend **Master-Mix** für die Gesamtzahl der geplanten PCR-Ansätze (N Proben + Positivkontrollen + Negativkontrollen) vor, und berechnen Sie mindestens eine zusätzliche Reaktion ein um Pipettierungenauigkeiten auszugleichen:

Komponente	pro Reaktion	z.B. 24+1 Reaktionen
RealFast™ 2x Genotyping Mix	10 µl	250 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	5 µl	125 µl
Master-Mix	15 µl	375 µl

Legen Sie **15 µl Master-Mix** in jedes Gefäß vor. Pipettieren Sie **5 µl** gereinigte **DNA** oder **Control** Template dazu um das Endvolumen von 20 µl zu erreichen.

Zur Minimierung des Kontaminationsrisikos pipettieren Sie die Proben in dieser Reihenfolge: Zuerst NTC, danach Ihre Proben, zuletzt die Positivkontrollen. Reaktionsgefäße sofort verschließen.

» **Anmerkung:** Vermeiden Sie Luftblasen im PCR-Ansatz und Fingerabdrücke auf den optischen Oberflächen der Reaktionsgefäße. Beides kann die Fluoreszenzmessung beeinträchtigen. «

7.4. PCR Programm

Programmieren Sie Ihr real-time PCR Gerät wie vom Hersteller angegeben für "Allelic Discrimination" oder "Genotyping" Experimente. Stellen Sie die PCR-Ansätze in den Thermocycler und starten Sie folgendes Programm:

AB 7500 Fast, StepOne™, CFX96™, LightCycler® 480, Mx3005P und andere Peltier-Heizblock-basierende **Geräte:**

Zyklen	Temp	Zeit	Schritt
1	95°C	3 min	Initiale Denaturierung
40	95°C	15 sec	Denaturierung
	60°C	1 min	Annealing/Extension -
			Datenaufnahme im FAM- und HEX-Kanal

MIC qPCR Cycler, Rotor-Gene® 6000*):

Zyklen	Temp	Zeit	Schritt
1	95°C	3 min	Initiale Denaturierung
40	95°C	15 sec	Denaturierung
	60°C <i>*)for 36-well rotor: 56°C</i>	1 min	Annealing/Extension -
			Datenaufnahme im Green- und Yellow-Kanal

8. Datenanalyse / Interpretation der Ergebnisse

Der Genotyp einer Probe wird aufgrund des Signalverhältnisses zwischen den Aufnahmekanälen berechnet. Dabei wird das im **HEX-Kanal (normal)** detektierte Signal mit dem im **FAM-Kanal (mutiert)** detektierten Signal verglichen. Die meisten real-time PCR Auswertprogramme stellen die Daten beider Kanäle automatisch als Streudiagramm (Scatterplot) dar. Datenpunkte entlang der X- bzw. Y-Achsen entsprechen normalen bzw. homozygot mutierten Genotypen, während Datenpunkte in der Mitte des Scatterplots heterozygoten Genotypen entsprechen. Die NTC erscheint links unten.

Kontrollen	Amplifikation im FAM -Kanal (520 nm)	Amplifikation im HEX -Kanal (556 nm)	Genotyp
WT-Control	NEIN	JA	normal
HET-Control	JA	JA	heterozygot
MUT-Control	JA	NEIN	homozygot mutiert
NTC	NEIN	NEIN	---

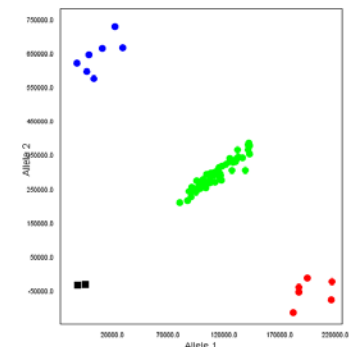
Einige Auswertprogramme benötigen manuell gesetzte Schwellenwerte (Threshold) zur korrekten Genotypisierung.

Empfehlungen zur Einstellung des Schwellenwertes (C_q):

Setzen Sie den Schwellenwert für den FAM-Kanal etwas höher als die Hintergrundfluoreszenz der WT-Control (HEX positiv). Setzen Sie umgekehrt den Schwellenwert für den HEX-Kanal etwas höher als die Hintergrundfluoreszenz der MUT-Control (FAM positiv).

Proben, die den Schwellenwert nach C_q 37 übersteigen, gelten als ungültiges Resultat und müssen wiederholt werden.

Folgen Sie der Anleitung Ihres real-time PCR Auswertprogrammes um die gewonnenen Daten zu analysieren.



9. Sicherheitshinweise und Vorsichtsmaßnahmen

- Der Kit ist ausschließlich für *in vitro* Diagnostik bestimmt.
- Tragen Sie beim Hantieren der Proben und Reagenzien immer puderfreie Einweghandschuhe und geeignete Laborkleidung.
- Bereiche für die DNA Extraktion und den Ansatz des PCR Mastermixes sollten räumlich streng getrennt sein.
- Benützen Sie ein eigenes Pipettenset nur für den PCR-Ansatz und verwenden Sie Pipettenspitzen mit Aerosolfilter.
- Benützen Sie ausschließlich dünnwandige, gerätekompabile PCR-Gefäße mit für optische Messungen geeignetem Verschluss.
- Mischen Sie keine Reagenzien mit verschiedenen Lotnummern.
- Verwenden Sie keine abgelaufenen Kits oder Kit-Komponenten.

MTHFR 677C>T RealFast™ Assay

REF 7-160 / 7-163 Σ 100 / 32 réactions
-30°C -15°C CE IVD



ViennaLab Diagnostics GmbH
Gaudenzdorfer Guertel 43-45
A-1120 Vienna, Austria
Phone: (+43-1) 8120156-0
info@viennalab.com
www.viennalab.com

1. Utilisation

Le MTHFR 677C>T RealFast™ Assay est un test PCR en temps réel précis et rapide pour détecter la mutation 677C>T dans le gène *methylenetetrahydrofolate réductase (MTHFR)*. Cette mutation est liée à une activité enzymatique réduite, qui peut entraîner une hyperhomocystéinémie et des effets secondaires toxiques d'un traitement par méthotrexate. Ce kit permet d'identifier les patients prédisposés à développer des maladies cardiovasculaires et de constater une intolérance au méthotrexate. Ce test qualitatif permet d'identifier les trois génotypes MTHFR 677C>T dans un extrait d'ADN humain: CC (normal), CT (hétérozygote) ou TT (homozygote muté).
Séquence de référence: HGVS: NG_013351.1 g.14783C>T; dbSNP: rs1801133.

2. Introduction

Des taux élevés d'homocystéine, un produit intermédiaire du métabolisme de la méthionine, représentent un facteur de risque pour l'athérosclérose et la thrombose artérielle. L'anémie hyperhomocystéinémie entraîne un dysfonctionnement endothélial et est associée à l'activation de thrombozytes et de la formation de thrombus. Des formes légères et modérées peuvent être entraînées par le point de mutation homozygote 677C>T ou bien par le point de mutation complexe hétérozygote 677C>T/1298A>C. La mutation MTHFR 1298A>C est également liée à une activité enzymatique réduite. La prévalence des porteurs homozygotes 677C>T va jusqu'à 15 % de la population, ce qui reflète la grande part d'hétérozygotes (40 %). Chez les sujets avec les deux mutations, le taux d'homocystéine est sensiblement bien plus haut que chez ceux qui ne portent qu'une mutation hétérozygote 677C>T. L'anémie hyperhomocystéinémie peut affecter la sensibilité à la méthotrexate et contribuer à la toxicité, car la MTHFR est une enzyme importante pour le maintien de la présence de folates cellulaires. Une mutation homozygote 677C>T ou hétérozygote combinée 677C>T/1298A>C représente un risque sensiblement plus important pour l'apparition d'effets secondaires en cas de traitement par méthotrexate.

3. Composants du kit

100 / 32 Rxn

RealFast™ 2x Genotyping Mix	1 Vial	<input type="checkbox"/> couvercle blanc	1000 / 320 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	1 Vial	<input type="checkbox"/> couvercle violet	550 / 550 µl
MTHFR 677C>T WT-Control	1 Vial	<input type="checkbox"/> couvercle vert	75 / 75 µl
MTHFR 677C>T MUT-Control	1 Vial	<input type="checkbox"/> couvercle rouge	75 / 75 µl

Le RealFast™ 2x Genotyping Mix comprend HotStart Taq DNA polymerase et des dNTPs dans un système tampon optimisé. Le MTHFR 677C>T Assay Mix se compose de primers génospécifiques *MTHFR* et de deux sondes d'hydrolyse spécifiques d'allèle munies d'un double marqueur. De plus vous disposez dans le kit des matrices témoins pour le génotype normal (WT-Control) et le génotype homozygote muté (MUT-Control).

Le kit comprend des réactifs pour 100 / 32 réactions de chacune d'un volume final de 20 µl.

4. Stockage et stabilité

Le MTHFR 677C>T RealFast™ Assay est livré sur des blocs de refroidissement. Stockez le kit après réception de -30 à -15°C. Ou bien si vous l'utilisez à court terme en l'espace d'un mois, conservez-le de 2 à 8°C. Les réactifs perdurent sans perdre leur activité jusqu'à 20 cycles de congélation/décongélation. Evitez les expositions prolongées à la lumière directe. Stocké de manière correcte, le kit conserve toute sa fonctionnalité jusqu'à la date de péremption indiquée.

5. Description du produit

5.1. Principe du test

Le test repose sur un test fluorogène à la nucléase 5', connu aussi sous le nom de TaqMan®-Assay. Chaque réaction contient une paire de primers génospécifiques qui amplifie un fragment 185 bp du gène *MTHFR* et deux sondes d'hydrolyse allèles-spécifiques, munies d'un marqueur double, qui s'hybride à la séquence cible du fragment amplifié. La proximité directe entre les indicateurs fluorescents 5' et les colorants 3' sur une sonde intacte inhibe la fluorescence. Au cours de la PCR l'activité exonucléase 5' – 3' de la polymérase ADN Taq clive l'indicateur fluorescent 5' de l'échantillon hybridisé. La séparation spatiale du fluorophore du quencher provoque un signal fluorescent en temps réel, qui est proportionnel à la quantité du produit de la PCR.

Dans les échantillons normaux, la **sonde de type sauvage 677C>T marquée HEX** s'hybride au brin complémentaire du fragment de gène amplifié. Il en résulte un fort signal fluorescent dans le canal HEX (556nm) et aucun signal ou un moins fort situé sur la ligne de base dans le canal FAM (520nm). Inversement, dans des échantillons mutés homozygotes, la **sonde mutante 677C>T marquée FAM** s'hybride au brin complémentaire du fragment de gène amplifié. On peut ainsi détecter un signal fluorescent fort dans le canal FAM et aucun ou un signal plus faible situé sur la ligne de base dans le canal HEX. Pour les échantillons hétérozygotes, les deux sondes se lient aux amplicons et génèrent un signal intermédiaire dans les deux canaux de détection.

5.2. Compatibilité avec les machines de la PCR temps réel

Le MTHFR 677C>T RealFast™ Assay est homologué pour une utilisation avec l'appareil AB 7500 Fast.

Le kit est compatible avec différentes machines de la PCR en temps réel standards du commerce capables de détecter la fluorescence FAM et HEX:

- ✓ AB 7500 Fast (Applied Biosystems®)
- ✓ AB StepOne™ (Applied Biosystems®)
- ✓ CFX96™ (Bio-Rad)
- ✓ LightCycler® 480 (Roche)
- ✓ MIC qPCR Cycler (bms)
- ✓ Mx3005P (Agilent Technologies)
- ✓ Rotor-Gene® 6000 (Qiagen)

» **Remarque:** RealFast™ Genotyping QuickGuides pour la programmation et l'exploitation des RealFast™ Assays sur différents types d'appareils peuvent être téléchargées à partir de: www.viennalab.com.

Si vous utilisez le AB StepOne™, il faut mettre le colorant de référence passif sur "ROX"! «

Le kit est livré **sans ROX**. Pour l'utilisation d'appareils PCR en temps réel nécessitant une haute concentration pour la normalisation des données (par ex. Applied Biosystems® StepOne™, 7300, 7900/7900HT), il faut ajouter du ROX dans une concentration finale de 1 µM à 2x Genotyping Mix.

5.3. Spécifications du test

La sensibilité a été déterminée à partir de 67 allèles, qui ont été testées positives à la mutation MTHFR 677C>T à partir d'un test de référence marqué CE. Le MTHFR 677C>T RealFast™ Assay a typé positives 67 allèles, ce qui équivaut à un taux de vrais positifs de 100%.

La spécificité a été déterminée à partir de 65 allèles, qui ont été testées négatives à la mutation MTHFR 677C>T à partir d'un test de référence marqué CE. Le MTHFR 677C>T RealFast™ Assay a typé négatives 65 allèles, ce qui équivaut à un taux de vrais négatifs de 100%.

Limite de détection: 0.2 ng ADN génomique (par réaction)

Concentration d'ADN recommandée: 2 à 20 ng/µl ADN génomique

6. Matériel nécessaire, mais non fourni

Appareil de la PCR en temps réel avec des filtres FAM (520 nm) et HEX (556 nm), tubes PCR optiques compatibles avec l'appareil, gants non-poudrés à usage unique, vortexer, minicentrifugeuse pour des tubes de 2.0 ml, racks pour tubes, set de micropipettes calibrées (0.5 – 1000 µl), des pointes de pipettes stériles avec des filtres aérosol, eau ultrapure, système d'extraction d'ADN, réfrigérateur et congélateur, contenant pour déchets biomédicaux.

7. Procédure

7.1. Extraction de l'ADN

Les réactifs d'extraction d'ADN **ne sont pas inclus** dans le kit.

L'ADN isolé à partir de différents échantillons (par ex. sang total, gouttes de sang séché, frottement à l'intérieur de la joue ou salive) peut être utilisé. L'extrait d'ADN doit bien sûr convenir à une amplification en terme de concentration, de pureté et d'intégrité.

Pour réaliser un génotypage fiable, la quantité d'ADN pour chaque réaction doit se situer dans une fourchette de 10 à 100 ng pour tous les échantillons.

7.2. Contrôle de la PCR

Incluez **toujours** un **No Template Control** (NTC) dans chaque test pour contrôler la présence d'éventuelles contaminations. Il est recommandé d'effectuer les NTC (utilisez une eau ultrapure à la place de l'ADN) comme duplicat.

Effectuez **toujours** le MTHFR 677C>T **WT-Control** et le MTHFR 677C>T **MUT-Control** pour chaque test comme signaux de référence pour des échantillons inconnus. Certains logiciels de la PCR en temps réel, comme par ex. AB 7500 Fast, nécessitent pour interpréter correctement les résultats des signaux pour l'ensemble des trois génotypes possibles dans la "Allelic Discrimination Plot". Pour réaliser un contrôle hétérozygote (HET-Control) mélangez une aliquote du WT-Control et du MUT-Control dans un rapport 1:1.

» **Remarque:** les WT- et MUT-Controls représentent des sources de contaminations éventuelles, il faut donc veiller à les manipuler avec le plus grand soin. «

7.3. Préparation du MTHFR 677C>T RealFast™ Master-Mix

Décongelez complètement toutes les solutions, centrifugez-les brièvement après les avoir mélangées avec précaution. La réalisation de la PCR s'effectue à température ambiante. Préparez suffisamment de **Master-Mix** pour le nombre total d'amorces PCR prévues (N échantillons + contrôles positifs + contrôles négatifs) et calculez en plus au moins une réaction supplémentaire pour compenser une imprécision de pipetage:

Composants	Par réaction	Par ex. 24+1 réactions
RealFast™ 2x Genotyping Mix	10 µl	250 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	5 µl	125 µl
Master-Mix	15 µl	375 µl

Mettez **15 µl** de **Master-Mix** dans chaque godet. Pipetez et ajoutez **5 µl** d'**ADN** ou de **Control** Template pour obtenir un volume final de 20 µl.

Pour minimiser les risques de contaminations, pipetez les échantillons dans cet ordre: premièrement NTC, ensuite les échantillons, et finalement les contrôles positifs. Fermez immédiatement les récipients de réaction.

» **Remarque:** évitez les bulles d'air dans les mélanges finaux de réaction et les empreintes digitales sur les surfaces optiques des récipients de réaction qui peuvent toutes les deux altérer la mesure de la fluorescence. Centrifugez si nécessaire. «

7.4. Programme de la PCR

Programmez la machine PCR en temps réel comme indiqué par le fabricant pour les expériences de discrimination allélique ou de génotypage. Mettez les échantillons PCR dans le thermocycleur et lancez le programme suivant:

AB 7500 Fast, StepOne™, CFX96™, LightCycler® 480, Mx3005P
et autres machines reposant sur le bloc thermique Peltier:

Cycles	Temp	Durée	Etape
1	95°C	3 min	Dénaturation initiale
40	95°C	15 sec	Dénaturation
	60°C	1 min	Annealing/Extension –
			Réception de données dans le canal FAM et HEX

MIC qPCR Cycler, Rotor-Gene® 6000*):

Cycles	Temp	Durée	Etape
1	95°C	3 min	Dénaturation initiale
40	95°C	15 sec	Denaturation
	60°C *for 36-well rotor: 56°C	1 min	Annealing/Extension –
			Réception de données dans le canal Green et Yellow

8. Analyse des données / interprétation des résultats

Le génotype d'un échantillon est déterminé à partir du rapport de signal entre les canaux de réception. Le signal détecté dans le **canal HEX (normal)** est pour ce faire comparé au signal détecté dans le **canal FAM (muté)**. La plupart des programmes d'évaluation PCR en temps réel représentent automatiquement les données issues des deux canaux sous forme d'un nuage de points. Les points de données se situant le long des axiales X- à savoir Y correspondent au génotype normal, à savoir homozygote muté, tandis que les points de données situés au milieu du nuage de points correspondent au génotype hétérozygote. La NTC apparait en bas à gauche.

Contrôles	Amplification dans le canal FAM (520 nm)	Amplification dans le canal HEX (556 nm)	Génotype
WT-Control	NON	OUI	normal
HET-Control	OUI	OUI	hétérozygote
MUT-Control	OUI	NON	homozygote muté
NTC	NON	NON	----

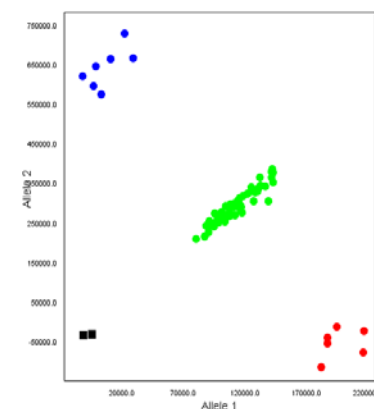
Pour certains logiciels il faut fixer manuellement des valeurs seuil (threshold) pour effectuer le génotypage correctement.

Recommandations pour le réglage de la valeur seuil (C_q):

Fixez la valeur seuil pour le canal FAM juste au-dessus du signal fluorescent de fond généré par le WT-Control (HEX positif). Fixez à l'inverse la valeur seuil pour le canal HEX juste au-dessus du signal fluorescent de fond du MUT-Control (FAM positif).

Les échantillons dépassant le seuil C_q 37 sont considérés comme erronés et doivent être repris.

Suivez les instructions de votre logiciel d'évaluation de la PCR en temps réel, pour analyser les données que vous avez obtenues.



9. Mises en garde et précautions

- Le kit est à utiliser uniquement pour des diagnostics *in vitro*.
- Pour manipuler les échantillons et les réactifs, mettez toujours des gants poudrés à usage unique et des vêtements de laboratoire appropriés.
- Effectuez l'extraction de l'ADN dans un endroit strictement séparé de celui où vous réalisez la préparation de la PCR.
- Utilisez un jeu de pipettes uniquement destiné à la préparation de la PCR et utilisez des pointes de pipettes avec un filtre aérosol.
- Utilisez uniquement des récipients PCR compatibles avec la machine, aux parois fines, avec un couvercle approprié à faire des mesures optiques.
- Ne mélangez pas de réactifs avec différents numéros de lot.
- N'utilisez pas de kits et de composants de kit périmés.

MTHFR 677C>T RealFast™ Assay

REF 7-160 / 7-163 Σ 100 / 32 reazioni
-30°C -15°C CE IVD



ViennaLab Diagnostics GmbH
Gaudenzdorfer Guertel 43-45
A-1120 Vienna, Austria
Phone: (+43-1) 8120156-0
info@viennalab.com
www.viennalab.com

1. Utilizzo

L'MTHFR 677C>T RealFast™ Assay è un test in tempo reale, rapido e accurato, basato sulla PCR per la rilevazione della mutazione 677C>T nel gene della *metilendetraidrofolato reduttasi* (*MTHFR*). La mutazione è associata a una ridotta attività enzimatica, che comporta iperomocisteinemia e tossicità della terapia a base di metotrexato. Il kit è progettato per individuare i pazienti con predisposizione a sviluppare patologie cardiovascolari o intolleranza al metotrexato. L'esame qualitativo discrimina i tre possibili genotipi MTHFR 677C>T in un estratto di DNA umano: CC (stato eterozigote), CT (stato eterozigote) o TT (stato omozigote mutante). Sequenza di riferimento: HGVS:NG_013351.1 g.14783C>T; dbSNP: rs1801133.

2. Introduzione

Livelli elevati di omocisteina, un prodotto intermedio del metabolismo della metionina, rappresentano un fattore di rischio accertato per l'aterosclerosi e la trombosi arteriosa. L'iperomocisteinemia alla fine porta a disfunzione endoteliale con associata attivazione piastrinica e formazione di trombi. Le forme da lievi e moderate possono essere causate da omozigosi per una mutazione puntiforme comune (677C>T) nella regione di codifica del gene *MTHFR*. Anche la seconda mutazione comune del gene *MTHFR* (1298A>C) contribuisce a una ridotta attività enzimatica, specialmente laddove sia simultanea alla 677C>T. La prevalenza di portatori in omozigosi della mutazione 677C>T tra la popolazione normale raggiunge il 15%, un dato che rispecchia l'elevata percentuale di eterozigoti (40%). I livelli di omocisteina a digiuno sono notevolmente più elevati nei soggetti eterozigoti per entrambe le sostituzioni rispetto ai soggetti portatori di un'unica mutazione (677C>T) in eterozigosi. L'iperomocisteinemia può alterare la sensibilità al metotrexato e contribuire alla tossicità, in quanto l'MTHFR rappresenta un enzima importante per il mantenimento dei livelli di folato cellulare. Pertanto, la condizione di omozigosi per la 677C>T o di eterozigosi composta per le mutazioni 677C>T / 1298A>C comporta un rischio notevolmente superiore di effetti collaterali avversi nella terapia con metotrexato.

3. Contenuto del kit

100 / 32 Rxn

RealFast™ 2x Genotyping Mix	1 fiala	□ tappo bianco	1000 / 320 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	1 fiala	■ tappo viola	550 / 550 µl
MTHFR 677C>T WT-Control	1 fiala	■ tappo verde	75 / 75 µl
MTHFR 677C>T MUT-Control	1 fiala	■ tappo rosso	75 / 75 µl

Il RealFast™ 2x Genotyping Mix include la HotStart Taq DNA polymerase e i dNTP in un sistema tampone ottimizzato. L'MTHFR 677C>T Assay Mix consiste di primer specifici per il gene *MTHFR* e di due sonde di idrolisi allele-specifiche a doppia etichetta. Insieme al kit sono forniti controlli che rappresentano i genotipi di tipo selvatico (WT-Control) e di tipo omozigote mutante (MUT-Control).

Il kit contiene reagenti per 100 / 32 reazioni in un volume finale di 20 µl ciascuno.

4. Conservazione e stabilità

L'MTHFR 677C>T RealFast™ Assay viene inviato su blocchi refrigeranti. Al suo arrivo, conservare il kit da -30 a -15°C. In alternativa, il kit può essere conservato a una temperatura tra i 2 e gli 8°C per un uso a breve termine entro un mese. Il kit sopporta fino a 20 cicli di congelamento/scongelo senza perdita di attività. Evitare un'esposizione prolungata a luce intensa. Se conservato in modo adeguato, il kit manterrà piena attività fino alla data di scadenza indicata sull'etichetta.

5. Descrizione del prodotto

5.1. Principio del Test

Il test è basato sul saggio fluorogenico della 5' nucleasi, anche denominato TaqMan® Assay. Ciascuna reazione contiene una coppia di primer gene-specifici che amplifica un frammento di 185 bp del gene *MTHFR*, e due sonde di idrolisi allele-specifiche a doppia etichetta che ibridano con la sequenza target del frammento amplificato. La prossimità del reporter fluorescente in 5' e del quencher colorante in 3' sulle sonde intatte induce la soppressione della fluorescenza del reporter. Durante la fase di estensione della PCR, l'attività 5' – 3' esonucleasica della Taq DNA polimerasi cliva il reporter fluorescente in 5' dalla sonda ibridata. La separazione fisica del fluoroforo dal quencher colorante genera un segnale fluorescente in tempo reale, che è proporzionale al prodotto della PCR accumulato.

Nei campioni normali la **sonda marcata con HEX di tipo selvatico** per 677C>T ibrida con il filamento complementare del frammento del gene. Nel canale HEX (556nm) si rileva un forte segnale di fluorescenza, mentre il segnale è assente o soltanto di base nel canale FAM (520nm). Viceversa, nei campioni omozigoti mutanti la **sonda mutante per 677C>T marcata con FAM** si lega al frammento del gene. Si rileva un forte segnale di fluorescenza nel canale FAM, mentre il segnale è assente o soltanto di base nel canale HEX. Nei campioni eterozigoti le sonde sia di tipo selvatico che mutante si legano agli ampliconi, generando segnali intermedi in entrambi i canali.

5.2. Compatibilità dello strumento Real-time PCR

L'MTHFR 677C>T RealFast™ Assay è validato per l'utilizzo con lo strumento AB 7500 Fast.

Il kit è compatibile con vari strumenti comuni Real-time PCR in grado di registrare la fluorescenza FAM e HEX:

- ✓ AB 7500 Fast (Applied Biosystems®)
- ✓ AB StepOne™ (Applied Biosystems®)
- ✓ CFX96™ (Bio-Rad)
- ✓ LightCycler® 480 (Roche)
- ✓ MIC qPCR Cycler (bms)
- ✓ Mx3005P (Agilent Technologies)
- ✓ Rotor-Gene® 6000 (Qiagen)

» **Nota:** Le RealFast™ Genotyping QuickGuide per l'allestimento e l'analisi di esperimenti su strumenti di tipo diverso possono essere scaricate dal sito www.viennalab.com.

Quando si utilizza l'AB StepOne™, impostare il colorante di riferimento passivo su "ROX"! «

Poiché viene fornito **senza ROX**, per utilizzare il kit con strumenti Real-time PCR che richiedono un ROX elevato per la normalizzazione dei dati (per es. strumenti Applied Biosystems® StepOne™, 7300, 7900/7900HT), aggiungere ROX in una concentrazione finale di 1 µM al 2x Genotyping Mix.

5.3. Specifiche delle prestazioni dell'Assay

La determinazione della **sensibilità** è stata eseguita su 67 alleli risultati positivi per la mutazione MTHFR 677C>T con kit di riferimento marchiato CE. L'MTHFR 677C>T RealFast™ Assay ha determinato la positività di tutti i 67 alleli, con una percentuale di veri positivi pari al 100%.

La determinazione della **specificità** è stata eseguita su 65 alleli risultati negativi per la mutazione MTHFR 677C>T con kit di riferimento marchiato CE. L'MTHFR 677C>T RealFast™ Assay ha determinato la negatività di tutti i 65 alleli, con una percentuale di veri negativi pari al 100%.

Limite di rilevazione: 0.2 ng di DNA genomico (per reazione). Concentrazione di DNA raccomandata: da 2 a 20 ng/µl di DNA genomico.

6. Materiali richiesti ma non forniti

Strumento Real-time PCR con filtri FAM (520 nm) e HEX (556 nm), contenitori di reazione compatibili con lo strumento, guanti monouso senza polvere, vortex, minicentrifuga per provette da 2.0 ml, portaprovette, set di micropipette calibrate (0.5 – 1000 µl), punte sterili con filtro barriera antiaerosol, acqua di grado molecolare, sistema per l'estrazione del DNA, congelatore, contenitore per rifiuti biologici.

7. Protocollo sperimentale

7.1. Estrazione del DNA

I reagenti per l'estrazione del DNA **non sono forniti** con il kit.

E' possibile utilizzare DNA isolato da campioni diversi (per es. sangue periferico intero, campioni di sangue secco, tamponi orali o saliva). Accertarsi che il DNA estratto sia idoneo per l'amplificazione dal punto di vista della concentrazione, della purezza e dell'integrità.

Per un'accurata determinazione dei genotipi, la quantità di DNA per reazione dev'essere compresa tra 10 e 100 ng per tutti i campioni.

7.2. Controlli della PCR

Includere **sempre** un **No Template Control (NTC)** in ciascun esperimento per confermare l'assenza di potenziali contaminazioni. E' consigliabile condurre l'NTC in duplicato (utilizzare acqua di grado PCR invece di DNA).

Includere **sempre** l'MTHFR 677C>T **WT-Control** e l'MTHFR 677C>T **MUT-Control** come segnali di riferimento positivi per i vostri campioni non noti.

Alcuni software Real-time PCR, per es. l'AB 7500 Fast, richiedono segnali per tutti e tre i possibili genotipi per una corretta discriminazione allelica. Allo scopo di ottenere un controllo eterozigote (HET-Control), miscelare un'aliquota di WT-Control e di MUT-Control in un rapporto 1:1.

» **Nota:** I WT- e MUT-Controls costituiscono potenziali fonti di contaminazione. Assicuratevi di maneggiarli con cautela. «

7.3. Preparazione del Master Mix dell'MTHFR 677C>T RealFast™:

Una volta scongelate, vortexare leggermente e centrifugare brevemente tutte le soluzioni. Allestire la PCR a temperatura ambiente. Preparare una quantità di **Master Mix** che sia sufficiente per tutte le reazioni (N campioni + controlli positivi + controlli negativi) nonché almeno una reazione aggiuntiva per rimediare a eventuali imprecisioni nel pipettaggio:

Componenti	per reazione	Per es. 24+1 reazioni
RealFast™ 2x Genotyping Mix	10 µl	250 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	5 µl	125 µl
Master Mix	15 µl	375 µl

Dispensare **15 µl** di **Master Mix** in ciascun pozzetto. Aggiungere **5 µl** di **DNA** purificato o di **Control** template per ottenere un volume di reazione finale di 20 µl.

Minimizzare il rischio di contaminazione, pipettare sempre i template nel seguente ordine: prima l'NTC, quindi i campioni e, per ultimi, i controlli positivi. Chiudere immediatamente i contenitori di reazione.

» **Nota:** Evitare la creazione di bolle nel mix di reazione finale ed evitare di toccare la superficie ottica del tappo o la pellicola sigillante senza guanti. Entrambi possono interferire con le misurazioni della fluorescenza. Centrifugare brevemente se necessario. «

7.4. Programma della PCR

Programmare lo strumento Real-time PCR secondo le istruzioni del fabbricante per gli esperimenti di discriminazione allelica / genotipizzazione. Collocare i campioni nel termociclatore e svolgere il seguente programma:

AB 7500 Fast, StepOne™, CFX96™, LightCycler® 480, Mx3005P e altri strumenti Peltier basati su blocco di riscaldamento:

Cicli	Temp	Tempo	Step
1	95°C	3 min	Denaturazione iniziale
40	95°C	15 sec	Denaturazione
	60°C	1 min	Annealing/Estensione –
			Acquisizione dei dati nel canale FAM e HEX

MIC qPCR Cycler, Rotor-Gene® 6000*):

Cicli	Temp	Tempo	Step
1	95°C	3 min	Denaturazione iniziale
40	95°C	15 sec	Denaturazione
	60°C *)for 36-well rotor: 56°C	1 min	Annealing/Estensione –
			Acquisizione dei dati nel canale Green e Yellow

8. Analisi dei dati / Interpretazione dei risultati

Il genotipo di ciascun campione si determina calcolando il rapporto tra i segnali registrati nel **canale HEX (normale)** e i segnali registrati nel **canale FAM (mutante)**. La maggior parte dei software Real-time PCR risolve automaticamente i dati di entrambi i canali in 'cluster' in un grafico a dispersione. I punti dati rappresentati sull'asse delle ascisse e sull'asse delle ordinate corrispondono, rispettivamente, a genotipi normali e omozigoti mutanti. I punti dati raggruppati in 'cluster' al centro del grafico rappresentano i genotipi eterozigoti. L'NTC compare nell'angolo sinistro in basso.

Controlli	Amplificazione nel canale FAM (520 nm)	Amplificazione nel canale HEX (556 nm)	Genotipo
WT-Control	NO	SI	normale
HET-Control	SI	SI	eterozigote
MUT-Control	SI	NO	omozigote mutante
NTC	NO	NO	----

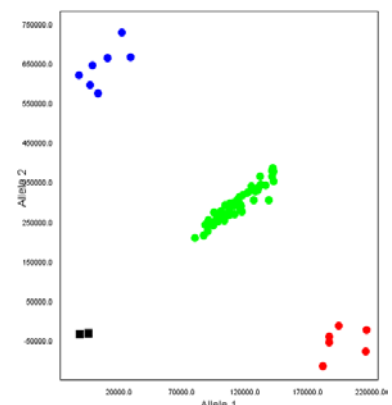
Alcuni software dello strumento richiedono l'impostazione manuale dei valori soglia (threshold) ai fini di un'accurata determinazione dei genotipi.

Raccomandazioni per l'impostazione dei valori soglia (C_q):

Impostare la soglia per il canale FAM immediatamente al di sopra del segnale fluorescente di fondo generato dal WT-Control (HEX-positivo). Viceversa, impostare la soglia per il canale HEX immediatamente al di sopra del segnale fluorescente di fondo generato dal MUT-Control (FAM-positivo).

I campioni che superano la soglia C_q 37 non danno risultati validi e vanno ripetuti.

Per l'analisi dei dati acquisiti, seguire le istruzioni del software dello strumento.



9. Avvertenze e precauzioni

- Solo per uso diagnostico *in vitro*.
- Indossare sempre guanti monouso senza polvere e un camice da laboratorio appropriato quando si maneggiano campioni e reagenti.
- Allestire la reazione in un'area separata da quella della preparazione dell'acido nucleico e dell'analisi del prodotto della PCR.
- Utilizzare pipette dedicate soltanto all'allestimento della PCR, avvalersi di punte per pipette provviste di barriera antiaerosol.
- Utilizzare contenitori di reazione compatibili con lo strumento provvisti di tappi otticamente trasparenti o di pellicole sigillanti.
- Non mescolare reagenti di lotti diversi.
- Non utilizzare kit, o componenti di kit, scaduti.

MTHFR 677C>T RealFast™ Assay

REF 7-160 / 7-163 Σ 100 / 32 reacciones
-30°C -15°C CE IVD



ViennaLab Diagnostics GmbH
Gaudenzdorfer Guertel 43-45
A-1120 Vienna, Austria
Phone: (+43-1) 8120156-0
info@viennalab.com
www.viennalab.com

1. Aplicación

MTHFR 677C>T RealFast™ Assay es una prueba PCR en tiempo real rápida y precisa para la detección de la mutación 677C>T en el gen de la *metilentetrahidrofolato reductasa (MTHFR)*. La mutación se asocia con la actividad enzimática reducida, la cual puede conducir a la hiperhomocisteinemia y a efectos tóxicos colaterales de una terapia con metotrexato. El kit se utiliza para identificar a los pacientes con una predisposición a la enfermedad cardiovascular, así como también para determinar una intolerancia al metotrexato. La prueba cualitativa indica en un extracto de ADN humano uno de los tres posibles genotipos MTHFR 677C>T: CC (normal), CT (heterocigotos) o bien TT (mutante homocigótico).

Secuencia de referencia: HGVS: NG_013351.1 g.14783C>T; dbSNP: rs1801133.

2. Introducción

Los niveles elevados de homocisteína, un producto intermedio del metabolismo de la metionina, son un factor de riesgo para la aterosclerosis y la trombosis arterial. La hiperhomocisteinemia conduce a la disfunción endotelial y se asocia con la activación de las plaquetas y la formación de trombos. Formas desde moderadas a leves pueden ser ocasionadas por los homocigotos 677C>T o por la combinación heterocigoto 677C>T/1298A>C mutación puntual. Así mismo la mutación 1298A>C de MTHFR se asocia con la disminución de la actividad de la enzima. En la población normal aparecen hasta un 15% de portadores homocigotos 677C>T, lo que refleja la elevada proporción de heterocigotos un 40%. Los niveles de homocisteína en los individuos con ambas mutaciones es significativamente mayor que en aquellos que portan sólo un heterocigoto mutación 677C>T. La hiperhomocisteinemia puede influir en la sensibilidad en relación al metotrexato y contribuir a la toxicidad, debido a que la MTHFR es una enzima importante para el mantenimiento de la presencia del folato a nivel celular. Una mutación homocigótica 677C>T o bien heterocigótica combinada 677C>T/1298A>C es pues un riesgo significativamente mayor en cuanto a efectos secundarios durante el tratamiento con metotrexato.

3. Componentes del kit

100 / 32 Rxn

RealFast™ 2x Genotyping Mix	1 vial	□ tapón blanco	1000 / 320 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	1 vial	■ tapón violeta	550 / 550 µl
MTHFR 677C>T WT-Control	1 vial	■ tapón verde	75 / 75 µl
MTHFR 677C>T MUT-Control	1 vial	■ tapón rojo	75 / 75 µl

El RealFast™ 2x Genotyping Mix contiene HotStart Taq DNA polymerase y dNTPs en un óptimo sistema de tampón o buffer. El MTHFR 677C>T Assay Mix se compone de *MTHFR* primers de genes específicos y dos sondas de hidrólisis, doblemente marcadas alelo-específicas. Además en el kit se incluyen las plantillas de control para el genotipo normal (WT-Control) y el homocigoto mutado (MUT-Control).

El kit contiene reactivos para 100 / 32 reacciones con cada 20 µl de volumen final.

4. Almacenamiento y estabilidad

El MTHFR 677C>T RealFast™ Assay se suministra sobre bloques de enfriamiento. Conserve el kit de -30 a -15°C después de su recepción. Alternativamente para su utilización en el espacio de un mes a 2 hasta 8°C. Los reactivos sobreviven sin pérdida de actividad hasta 20 ciclos de congelación/ descongelación. Evite la exposición prolongada a la luz directa. Cuando se conserva correctamente, el kit mantiene su funcionalidad hasta la fecha de caducidad indicada.

5. Descripción del producto

5.1. Principio de la prueba

La prueba basada en el ensayo de 5' nucleasa fluorogénica, también conocido como el ensayo TaqMan®-Assay. Cada reacción contiene un par de cebadores (primers) específicos de gen para la amplificación de un fragmento de 185 pb en el gen *MTHFR 677C>T* y dos sondas de hidrólisis doblemente marcadas alelo específicas, que enlazan con la secuencia de objetivo del fragmento amplificado. La proximidad del 5' reporter de fluorescente y 3' colorante de quencher reprime la fluorescencia de la sonda intacta. Durante la etapa de extensión de PCR, la actividad 5' – 3' exonucleasa de la polimerasa de ADN Taq escinde el reporter de la sonda hibridada. La separación espacial del fluoróforo del quencher ocasiona una señal de fluorescencia en tiempo real, la cual es proporcional a la cantidad de producto de PCR.

En las muestras normales la **sonda wild type 677C>T marcada-HEX** hibrida a la cadena complementaria del fragmento de gen amplificado. El resultado es una intensa señal de fluorescencia en el canal HEX (556nm) y una baja señal situada en la línea de base en el canal FAM (520 nm). En el caso inverso de las muestras de homocigotos mutantes la **sonda-mutante 677C>T marcada-FAM** hibrida a la cadena complementaria del fragmento de gen amplificado. De este modo se detecta una intensa señal de fluorescencia en el canal FAM, y una baja señal situada en la línea de base en el canal HEX. Para las muestras heterocigóticas las dos sondas se unen en la zona de destino de los amplicones y generan una señal intermedia en los dos canales de detección.

5.2. Compatibilidad con aparatos PCR en tiempo real

El MTHFR 677C>T RealFast™ Assay su uso está autorizado con el aparato AB 7500 Fast.

El kit es compatible con diferentes aparatos usuales de PCR en tiempo real, que puedan detectar fluorescencia FAM y HEX:

- ✓ AB 7500 Fast (Applied Biosystems®)
- ✓ AB StepOne™ (Applied Biosystems®)
- ✓ CFX96™ (Bio-Rad)
- ✓ LightCycler® 480 (Roche)
- ✓ MIC qPCR Cycler (bms)
- ✓ Mx3005P (Agilent Technologies)
- ✓ Rotor-Gene® 6000 (Qiagen)

» **Nota:** RealFast Genotyping QuickGuides para la programación y evaluación de RealFast™ Assays en diferentes aparatos están disponibles para su descarga en www.viennalab.com.

¡Al utilizar AB StepOne™ el colorante de referencia pasiva debe ponerse a "ROX" ! «

El kit **no** contiene ROX. El uso de dispositivos de PCR en tiempo real, que requieren una alta concentración de ROX para normalizar los datos (por.ej.: Applied Biosystems® StepOne™, 7300, 7900/7900HT), ROX tiene que ser añadido a una concentración final de 1 µM al 2x Genotyping Mix.

5.3. Especificaciones de la prueba

La **sensibilidad** se basa en 67 alelos, que fueron probados con una prueba de referencia positiva para la mutación MTHFR 677C>T marcado por la CE. El MTHFR 677C>T RealFast™ Assay tipificó los 67 alelos como positivo = 100% correcto-positivo-tanto por ciento.

La **especificidad** se basa en 65 alelos, que fueron probados con una prueba de referencia negativa para la mutación MTHFR 677C>T marcado por la CE. El MTHFR 677C>T RealFast™ Assay tipificó los 65 alelos como negativo = 100% correcto-negativo-tanto por ciento.

Límite de detección: 0.2 ng de ADN genómico (por reacción). Concentración de ADN recomendada: de 2 a 20 ng/µl de ADN genómico.

6. Materiales necesarios, pero no proporcionados

El aparato PCR en tiempo real con FAM (520 nm) y el filtro HEX (556 nm), recipientes PCR ópticos compatibles con aparatos, guantes desechables sin polvo, vórtex, mini centrífuga para 2.0 ml tubos, bastidor de tubos, juego de micro pipetas calibradas (0.5 - 1000 µl), puntas de pipeta estériles con filtros de aerosol, agua de gran pureza, sistema de extracción de ADN, refrigerador o congelador, contenedor de residuos.

7. Instrucciones

7.1. Extracción ADN

Reactivos de extracción de ADN **no se incluyen** en el kit. Se puede utilizar ADN de diferentes muestras (por ejemplo, sangre total, tarjetas de sangre, frotis de mejilla o la saliva). El ADN purificado debe estar disponible para la amplificación de forma altamente molecular y en cantidad y pureza suficientes. Para determinar el genotipo fiable la cantidad de ADN por reacción para todas las pruebas debe ser entre 10 y 100 ng.

7.2. Controles PCR

Incluya en cada ejecución **siempre un No Template Control (NTC)** para controlar la posibilidad de una contaminación potencial. Se recomienda utilizar el NTC (agua ultra pura en lugar de ADN) como duplicado.

Realice en cada ejecución **siempre el MTHFR 677C>T WT-Control** y el **MTHFR 677C>T MUT-Control** como señales de referencia para las muestras desconocidas. Algunos programas del PCR en tiempo real, tales como AB 7500 Fast, requieren para la correcta evaluación en el "Allelic Discrimination Plot" las señales para los tres posibles genotipos. Para producir un control heterocigoto (HET-Control) mezcle una alícuota de WT- Control y MUT-Control en la proporción 1:1.

» **Nota:** Los WT- y MUT-Controls pueden ser fuentes potenciales de contaminación y por lo tanto deben manejarse con mucho cuidado. «

7.3. Preparación de MTHFR 677C>T RealFast™ Master-Mix

Descongele completamente todas las soluciones, mezclar suavemente y centrifugar brevemente. La preparación de la PCR debe llevarse a cabo a temperatura ambiente. Preparar suficiente **Master-Mix** (mezcla maestra) para el número total del depósito de PCR planificado (pruebas N + controles positivos + controles negativos), y calcular al menos una reacción adicional para nivelar inexactitudes del pipeteando:

Componentes	por reacción	p.ej. 24+1 reacciones
RealFast™ 2x Genotyping Mix	10 µl	250 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	5 µl	125 µl
Master-Mix	15 µl	375 µl

Coloque previamente **15 µl Master-Mix** en cada recipiente. Pipetee **5 µl de ADN** purificado o de **Control** Template en él con el fin de alcanzar el volumen final de 20 µl de ADN.

Para minimizar el riesgo de contaminación de las muestras de la pipeta en este orden: en primer lugar NTC, a continuación sus muestras, por último los controles positivos. Cerrar inmediatamente los recipientes de reacción.

» **Nota:** Evite las burbujas de aire en la mezcla de PCR y las huellas dactilares sobre las superficies ópticas de los recipientes de reacción. Las dos cosas pueden afectar la medición de fluorescencia. «

7.4. Programa PCR

Programa su aparato PCR en tiempo real según lo especificado por el fabricante para la "Allelic Discrimination" o "Experimentos de genotipo". Fije los depósitos de PCR en el termociclador y ejecute el siguiente programa:

AB 7500 Fast, StepOne™, CFX96™, LightCycler® 480, Mx3005P y otros aparatos basados en el bloque de calentamiento Peltier:

Ciclos	Temp	Tiempo	Paso
1	95°C	3 min	Desnaturalización inicial
40	95°C	15 seg	Desnaturalización
	60°C	1 min	Annealing/Extensión – registro de datos en el canal FAM y HEX

MIC qPCR Cycler, Rotor-Gene® 6000*):

Ciclos	Temp	Tiempo	Paso
1	95°C	3 min	Desnaturalización inicial
40	95°C	15 seg	Desnaturalización
	60°C <i>*)for 36-well rotor: 56°C</i>	1 min	Annealing/Extensión - registro de datos en el canal Green y Yellow

8. Análisis de datos / Interpretación de los resultados

El genotipo de una muestra se calcula en base a las condiciones de la señal entre los canales de recepción. Por lo que la señal detectada en el **canal HEX (normal)** se compara con la señal detectada en el **canal FAM (mutado)**. La mayoría de los programas de análisis de PCR en tiempo real proporcionan los datos de ambos canales de forma automática como un diagrama de dispersión (scatterplot). Los puntos de datos a lo largo de los ejes X e Y corresponden a genotipos normales o homocigotos mutantes, mientras que los puntos de datos en el centro de los gráficos de dispersión corresponden a genotipos heterocigotos. La NTC aparece en la parte inferior izquierda.

Controles	Amplificación en FAM -canal (520 nm)	Amplificación en HEX -canal (556 nm)	Genotipo
WT-Control	NO	SI	normal
HET-Control	SI	SI	heterocigoto
MUT-Control	SI	NO	homocigoto mutado
NTC	NO	NO	----

Algunos programas de evaluación tienen que configurar manualmente el valor límite (threshold) para el genotipo correcto.

Recomendaciones para establecer el valor límite (C_q):

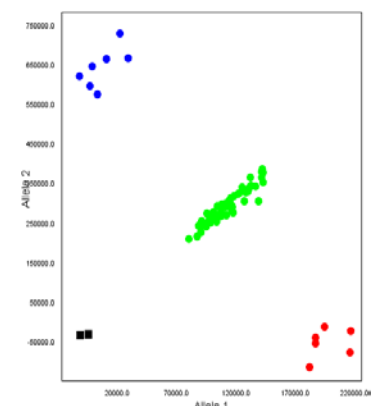
Fije el valor límite para el canal FAM ligeramente superior a la fluorescencia de fondo del WT-Control (HEX positivo). Ponga a la inversa el valor límite para el HEX-canal ligeramente superior a la fluorescencia de fondo del MUT-Control (FAM positivo).

Las muestras, que excedan el valor límite después de C_q 37 no se consideran válidas y deben repetirse.

Siga las indicaciones de su programa de evaluación PCR en tiempo real para analizar los datos obtenidos.

9. Indicaciones y medidas de seguridad

- El kit se destina únicamente para uso diagnóstico *in vitro*.
- Al manipular muestras y reactivos utilice siempre guantes desechables sin polvo y vestimenta adecuada de laboratorio.
- Entre las áreas para la extracción de ADN y el depósito PCR Master Mix debe mantener un espacio de separación estricto.
- Utilice solamente un set de pipetas propio sólo para el depósito de PCR y utilice puntas de pipeta con filtro de aerosol.
- Utilice únicamente recipientes de paredes finas, recipientes de PCR compatibles con los aparatos para mediciones ópticas cierre adecuado.
- No mezclar reactivos con números de lotes diferentes.
- No utilizar kits o componentes del kit caducados.



MTHFR 677C>T RealFast™ Assay

REF 7-160 / 7-163 100 / 32 reações

-30°C / -15°C



ViennaLab Diagnostics GmbH

Gaudenzdorfer Guertel 43-45

A-1120 Vienna, Austria

Phone: (+43-1) 8120156-0

info@viennalab.com

www.viennalab.com

1. Utilização prevista

O MTHFR 677C>T RealFast™ Assay é um teste de PCR em tempo real, exato e rápido, utilizado na detecção da mutação 677C>T no gene da metilenotetra-hidrofolato redutase (MTHFR). A mutação está associada à redução da atividade da enzima, que provoca hiper-homocisteinemia e efeitos secundários tóxicos da terapêutica com metotrexato. O kit destina-se à identificação de doentes com predisposição para desenvolverem doenças cardiovasculares ou intolerância ao metotrexato. O ensaio qualitativo discrimina os três possíveis genótipos de MTHFR 677C>T num extrato de ADN humano: CC (normal), CT (heterozigótico) ou TT (mutante homozigótico). Sequência de referência: HGVS: NG_013351.1 g.14783C>T; dbSNP: rs1801133.

2. Introdução

Níveis elevados de homocisteína, um produto intermediário do metabolismo da metionina, constituem um fator de risco estabelecido para aterosclerose e trombose arterial. Em última instância, a hiper-homocisteinemia causa disfunção endotelial associada a ativação plaquetária e formação de trombos. A homozigotia pode causar formas ligeiras a moderadas de mutação pontual 677C>T na região que codifica o gene da MTHFR. A segunda mutação comum do MTHFR, 1298A>C, também contribui para a diminuição da atividade enzimática, especialmente se ocorrer em simultâneo com a mutação 677C>T. A prevalência de portadores homozigóticos de 677C>T na população normal atinge os 15%, o que reflete a elevada percentagem de portadores heterozigóticos (40%). Em comparação com indivíduos portadores de apenas uma mutação 677C>T heterozigótica, os níveis de homocisteína em jejum são significativamente mais elevados nos indivíduos heterozigóticos com ambas as substituições. A hiper-homocisteinemia pode afetar a sensibilidade ao metotrexato e contribuir para a sua toxicidade, pois a MTHFR é uma enzima importante na manutenção de reservas celulares de ácido fólico. Logo, a homozigotia de 677C>T ou a heterozigotia composta de 677C>T/1298A>C acarreta um risco significativamente elevado de efeitos secundários negativos da medicação com metotrexato.

3. Conteúdo do kit

100 / 32 Rxn

RealFast™ 2x Genotyping Mix	1 ampola	□ tampa branca	1000 / 320 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	1 ampola	■ tampa roxa	550 / 550 µl
MTHFR 677C>T WT-Control	1 ampola	■ tampa verde	75 / 75 µl
MTHFR 677C>T MUT-Control	1 ampola	■ tampa vermelha	75 / 75 µl

A RealFast™ 2x Genotyping Mix inclui HotStart Taq DNA polymerase e dNTP num sistema tampão otimizado. A MTHFR 677C>T Assay Mix consiste em primers do gene MTHFR e duas sondas de hidrólise com dupla marcação e específicas do alelo. Os controlos representantes do genótipo natural (WT-Control) e do mutante homozigótico (MUT-Control) são fornecidos com o kit.

O kit contém reagentes para 100 / 32 reações, num volume final de 20 µl cada.

4. Armazenamento e estabilidade

O MTHFR 677C>T RealFast™ Assay é enviado em blocos de arrefecimento. Após a receção, armazene o kit de -30 a -15°C. Em alternativa, armazene entre 2 e 8°C para utilização a curto prazo, dentro de um mês. O kit suporta até 20 ciclos de congelamento/descongelamento sem ocorrer perda de atividade. Evitar a exposição prolongada a luz intensa. Se for armazenado corretamente, o kit permanece totalmente ativo até à data de validade indicada no rótulo.

5. Descrição do produto

5.1. Princípio do teste

O teste utiliza o ensaio fluorogénico 5' nuclease, também conhecido como ensaio TaqMan®. Cada reação contém um par de iniciadores específicos do gene, que amplifica um fragmento de 185 bp do gene MTHFR, assim como duas sondas de hidrólise com dupla marcação e específicas do alelo, que hibridizam a sequência alvo do fragmento amplificado. A proximidade do gene repórter fluorecente 5' e o corante supressor 3' em sondas intactas impede a fluorescência do gene repórter. Durante a fase de extensão da PCR, a atividade da exonuclease 5' - 3' da Taq DNA polimerase cliva o gene repórter fluorecente 5' da sonda hibridada. A separação física do fluoróforo do corante supressor produz um sinal fluorecente em tempo real, que é proporcional ao produto de PCR acumulado.

Em amostras normais, a sonda do tipo natural de 677C>T marcada com HEX é hibridada com a cadeia complementar do fragmento do gene. É detetado um sinal fluorecente forte no canal HEX (556 nm), ao passo que não é detetado qualquer sinal ou é detetado apenas um sinal de base no canal FAM (520 nm). Inversamente, em amostras do mutante homozigótico, a sonda do mutante 677C>T marcada com FAM liga-se ao fragmento do gene. É detetado um sinal fluorecente forte no canal FAM, ao passo que não é detetado qualquer sinal ou é detetado apenas um sinal de base no canal HEX. Em amostras heterozigóticas, as sondas do tipo natural e mutantes ligam-se aos ampliões e produzem sinais intermédios em ambos os canais.

5.2. Compatibilidade entre PCR em tempo real e equipamento

O Ensaio MTHFR 677C>T RealFast™ está validado para a utilização com o instrumento AB 7500 Fast.

O kit é compatível com vários equipamentos comuns de PCR em tempo real com capacidade de registar fluorescência FAM e HEX:

- ✓ AB 7500 Fast (Applied Biosystems®)
- ✓ AB StepOne™ (Applied Biosystems®)
- ✓ CFX96™ (Bio-Rad)
- ✓ LightCycler® 480 (Roche)
- ✓ MIC qPCR Cycler (bms)
- ✓ Mx3005P (Agilent Technologies)
- ✓ Rotor-Gene® 6000 (Qiagen)

» **Nota:** É possível transferir os RealFast™ Genotyping QuickGuides para informações sobre a configuração e análise de experiências com diferentes tipos de instrumentos em www.viennalab.com.

“Ao utilizar o AB StepOne™, configure o supressor de referência passiva para “ROX”! “

O kit é fornecido sem ROX. Para a utilização com instrumentos de PCR em tempo real que exijam ROX elevado para a normalização dos dados (por exemplo, instrumentos Applied Biosystems® StepOne™, 7300, 7900/7900HT), adicione ROX a uma concentração final de 1 µM à 2x Genotyping Mix.

5.3. Especificações de desempenho do ensaio

A determinação da sensibilidade foi efetuada em 67 alelos com resultado positivo quanto à mutação do MTHFR 677C>T utilizando um kit de referência com marcação CE. O MTHFR 677C>T RealFast™ Assay determinou todos os 67 alelos como positivos, o que correspondeu a uma taxa de verdadeiros positivos de 100%.

A determinação da especificidade foi efetuada em 65 alelos com resultado negativo quanto à mutação do MTHFR 677C>T utilizando um kit de referência com marcação CE. O MTHFR 677C>T RealFast™ Assay determinou todos os 65 alelos como negativos, o que correspondeu a uma taxa de verdadeiros negativos de 100%.

Limite de deteção: 0.2 ng de ADN genómico (por reação). Concentração de ADN recomendada: 2 a 20 ng/µl de ADN genómico.

6. Materiais necessários, mas não fornecidos

Instrumento de PCR em tempo real com filtros FAM (520 nm) e HEX (556 nm), recipientes de reação compatíveis com o instrumento, luvas sem talco descartáveis, vórtex, minicentrífugadora para tubos de 2.0 ml, suportes para tubos, conjunto de micropipetas calibradas (0.5 – 1000 µl), pontas estéreis com filtro de barreira de aerossóis, água de grau molecular, sistema de extração de ADN, congelador, recipiente para resíduos de risco biológico.

7. Protocolo experimental

7.1. Extração do ADN

Os reagentes de extração do ADN **não são fornecidos** com o kit.

É possível utilizar ADN isolado de vários tipos de amostra (p. ex., sangue periférico total, gota seca de sangue, esfregaço bucal ou saliva). Certifique-se de que o ADN extraído é adequado para a amplificação em termos de concentração, pureza e integridade.

Para a determinação exata do genótipo, a quantidade de ADN por reação deve situar-se entre 10 e 100 ng em todas as amostras.

7.2. Controlos de PCR

Inclua **sempre** um **No Template Control (NTC)** em cada experiência para confirmar a ausência de potencial contaminação. Recomenda-se a análise do NTC (utilizando água de grau para PCR em vez de ADN) em duplicado.

Inclua **sempre** o MTFHR 677C>T **WT-Control** e o MTHFR 677C>T **MUT-Control** como sinais de referência positiva para as amostras desconhecidas.

Alguns softwares de PCR em tempo real, p.ex., AB 7500 Fast, necessita de receber sinais dos três genótipos possíveis para a discriminação correta dos alelos. Para obter um controlo heterozigótico (HET-Control), misture uma alíquota do WT-Control e do MUT-Control numa proporção de 1:1.

» **Nota:** Os WT- e MUT-Controls são potenciais fontes de contaminação. Manuseie com cautela. «

7.3. Preparação da MTHFR 677C>T RealFast™ Master-Mix

Agite lentamente no vórtex e centrifugue rapidamente todas as soluções após o descongelamento. Configure a PCR à temperatura ambiente. Prepare **Master-Mix** (mistura principal) suficiente para todas as reações (amostras N + controlos positivos + controlos negativos) e pelo menos mais uma reação adicional para compensar erros de pipetagem:

Componente	por reação	p. ex. 24+1 reações
RealFast™ 2x Genotyping Mix	10 µl	250 µl
MTHFR 677C>T Assay Mix	5 µl	125 µl
Master-Mix	15 µl	375 µl

Coloque **15 µl** de **Master-Mix** em cada poço. Adicione **5 µl** de **ADN** purificado ou modelo de **Controlo** para obter um volume de reação final de 20 µl.

Para minimizar o risco de contaminação, pipete sempre modelos pela seguinte ordem: primeiro o NTC, seguido das amostras e, por último, os controlos positivos. Feche imediatamente os recipientes de reação.

» **Nota:** Evite a formação de bolhas na mistura de reação final e evite tocar na superfície ótica da tampa ou na película de vedação sem luvas. Isto pode interferir com as medições de fluorescência. Se necessário, centrifugue brevemente. «

7.4. Programa de PCR

Programe o instrumento de PCR em tempo real de acordo com as instruções do fabricante para discriminação de alelos/experiências de genotipagem. Coloque as amostras no termociclador e execute o seguinte programa:

AB 7500 Fast, StepOne™, CFX96™, LightCycler® 480, Mx3005P e outros instrumentos de bloco de calor Peltier:

Ciclos	Temperatura	Tempo	Passos
1	95°C	3 min	Desnaturação inicial
40	95°C	15 sec	Desnaturação
	60°C	1 min	Hibridação/Extensão- Aquisição de dados no canal FAM e HEX

MIC qPCR Cycler, Rotor-Gene® 6000*):

Ciclos	Temperatura	Tempo	Passos
1	95°C	3 min	Desnaturação inicial
40	95°C	15 sec	Desnaturação
	60°C *)for 36-well rotor: 56°C	1 min	Hibridação/Extensão- Aquisição de dados no canal Green e Yellow

8. Análise dos dados/interpretação dos resultados

O genótipo de cada amostra é determinado através do cálculo do quociente entre os sinais registados no **canal HEX (normal)** e os sinais registados no **canal FAM (mutante)**. A maior parte do software de PCR em tempo real resolve automaticamente os dados dos dois canais em grupos num gráfico de dispersão. Os pontos de dados representados ao longo dos eixos dos xx e dos yy correspondem a genótipos normais e mutantes homozigóticos, respetivamente. Os pontos de dados agrupados no centro do gráfico de dispersão representam genótipos heterozigóticos. O NTC aparece no canto inferior esquerdo.

Controlos	Amplificação no canal FAM (520 nm)	Amplificação no canal HEX (556 nm)	Genótipo
WT-Control	NÃO	SIM	normal
HET-Control	SIM	SIM	heterozigótico
MUT-Control	SIM	NÃO	mutante homozigótico
NTC	NÃO	NÃO	----

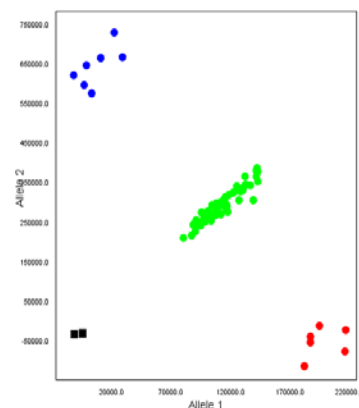
O software de alguns instrumentos requer a definição manual de limiares (threshold) para a determinação exata do genótipo.

Definições de limiar recomendadas (C_q):

Defina o valor do limiar para o canal FAM imediatamente acima do sinal fluorescente de fundo produzido pelo WT-Control (HEX positivo). Inversamente, defina o valor do limiar para o canal HEX imediatamente acima do sinal fluorescente de fundo produzido pelo MUT-Control (FAM positivo).

As amostras que ultrapassam o limiar para além de C_q 37 dão resultados inválidos e têm de ser repetidas.

Para analisar os dados obtidos, siga as instruções do software do seu instrumento.



9. Avisos e precauções

- Apenas para uso em diagnóstico *in vitro*.
- Utilizar sempre luvas sem talco descartáveis e vestuário de laboratório adequado ao manusear as amostras e os reagentes.
- Preparar a reação numa área separada da preparação de ácidos nucleicos e da análise do produto de PCR.
- Utilizar pipetas dedicadas apenas à configuração da PCR e pontas de pipeta com filtro de barreira de aerossóis.
- Utilizar recipientes de reação compatíveis com o instrumento e com tampas ou vedantes transparentes.
- Não misturar reagentes de lotes diferentes.
- Não utilizar kits ou componentes do kit que estejam fora do prazo de validade.